



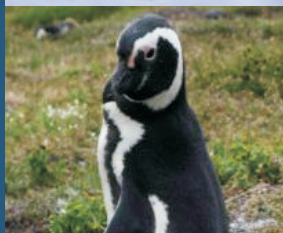
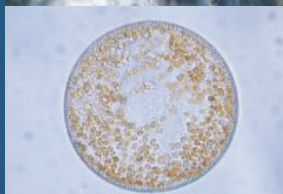
# IX Jornadas Nacionales de Ciencias del Mar

Ciencia y Sociedad:  
Integrando saberes en los estudios del mar

XVII Coloquio de Oceanografía

**Libro de  
Resúmenes**

20 al 25 de septiembre de 2015  
Ushuaia - Tierra del Fuego





# IX Jornadas Nacionales de Ciencias del Mar

**Ciencia y Sociedad: Integrando saberes en los estudios del mar**

## XVII Coloquio de Oceanografía

**20-25 de septiembre de 2015 - Ushuaia, Tierra del Fuego**



**Declaradas de interés por el Honorable Senado de la Nación Argentina**



IX JORNADAS NACIONALES  
DE CIENCIAS DEL MAR

## **Efecto de “El Niño” Oscilación del Sur sobre la estructura genética poblacional de *Argopecten purpuratus* de Perú y norte de Chile**

**Acosta Jofré MS (1), Sahade R (1), Laudien J (2), Chiappero MB (1)**

(1) Instituto de Diversidad y Ecología Animal (CONICET-UNC) y Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de Córdoba, Córdoba, Argentina. (2) Alfred Wegener Institute for Polar and Marine Research, Bremerhaven, Alemania. [mariassole@gmail.com](mailto:mariassole@gmail.com)

El Sistema de Corrientes de Humboldt está sujeto a la influencia de fuertes interacciones periódicas océano-atmósfera conocidas como “El Niño Oscilación del Sur” (ENSO). El ENSO puede inducir diferentes cambios en las poblaciones de bivalvos, por lo que estas especies son un excelente modelo para evaluar el efecto de las fluctuaciones ambientales sobre la estructura genética de sus poblaciones. El conocimiento de la diversidad genética y la estructura poblacional de especies marinas es esencial para identificar poblaciones discretas y niveles de intercambio genético entre ellas. *Argopecten purpuratus* es uno de los moluscos de mayor importancia comercial en Perú y Chile, y la dinámica de sus poblaciones está fuertemente influenciada por el ENSO. Utilizamos el gen mitocondrial citocromo b como marcador molecular para comparar los niveles de variabilidad genética y la estructura poblacional, en poblaciones de *A. purpuratus* de Perú y norte de Chile. Se encontró alta diversidad haplotípica y baja diversidad nucleotídica en todas las poblaciones y un total de 54 haplotipos. El índice diversidad genética ( $\Phi_{ST}$ ) entre pares de poblaciones resultó no significativo entre las poblaciones de Perú, pero sí entre éstas y la población de Chile. La red de haplotipos mostró varios haplogrupos en forma de estrellas, cada uno con un haplotipo central de alta frecuencia y ampliamente distribuido, conectado a otros haplotipos exclusivos y de baja frecuencia. No se observó una correspondencia entre cercanía filogenética de los haplotipos con su distribución geográfica. El análisis del *skyline plot* sugiere que *A. purpuratus* sufrió una expansión demográfica y de rango geográfico en el pasado reciente (~ 80.000 años). Nuestros resultados sugieren que las poblaciones de esta especie podrían haber sufrido diferentes eventos de pequeñas expansiones demográficas favorecidas por las condiciones climáticas generadas durante los eventos de “El Niño”, los cuales pueden haber existido desde el Pleistoceno.