



005

ID 227

RELACIÓN DEL GEN SPA-P DE STREPTOCOCCUS MUTANS CON VARIABLES CLÍNICAS ODONTOLÓGICAS, MICROBIOLÓGICAS Y MOLECULARES

*Fabiana P.M. Carletto Körber¹, María S. Acosta Jofre², Noelia S. Vera², María R. Mourelle Martínez³, María G. Jiménez¹, Juan E. Martínez¹,

Lila S. Cornejo¹, Raúl E. González Ittig²

1. Facultad de Odontología, Universidad Nacional de Córdoba, Argentina. 2. Instituto de Diversidad y Ecología Animal (IDEA), CONICET-UNC y Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, Universidad Nacional de Córdoba, Argentina. 3. Facultad de Odontología, Universidad Complutense de Madrid, España.

Objetivo/s Determinar si la variabilidad del gen spa-P se correlaciona con los índices ceod y CPOD de niños, con las UFC/mL y con los diferentes serotipos de *S. mutans*. **Materiales y Métodos** La población de estudio estuvo constituida por niños (n=45) de ambos sexos de 6-8 años de diferentes localidades de Córdoba y Madrid. Se realizó examen clínico odontológico siguiendo el procedimiento de rutina tacto-visual, registrándose los elementos dentarios sanos, cariados, con extracción indicada o perdido y obturados en dentición temporaria y permanente. Se calcularon los índices ceod y CPOD según el criterio de la OMS. Muestras de saliva estimulada fueron sembradas en Agar Mitis Salivarius para el desarrollo de *S. mutans* y posterior recuento de UFC/mL. La extracción de ADN se realizó según el método de Bollet. Se identificaron los serotipos por PCR multiplex. Se amplificó por PCR y se secuenció el gen de virulencia spa-P. Se identificaron sus haplotipos con el programa DNAsp y sus relaciones genealógicas se establecieron con el método de Median-joining utilizando el programa PopArt. Para correlacionar las variantes genéticas y la experiencia de caries se aplicó análisis de Spearman utilizando el programa PAST. Protocolo aprobado por el Comité de Ética FO-UNC N°3755/2019. **Resultados** Se identificaron 29 haplotipos del gen spa-P, siendo el 4 el más frecuente y compartido por cepas de 10 niños. La red reveló una combinación de haplotipos con poca diferenciación genética y otros separados por numerosas mutaciones. La correlación entre los haplotipos del gen spa-P y UFC/mL de *S. mutans* resultó significativa ($r=0.421$; $p<0.01$). En tanto las correlaciones entre los haplotipos con ceod+CPOD y con los serotipos no fueron significativas ($r=0.189$; $p=0.22$) y ($r=0.076$; $p=0.62$), respectivamente. **Conclusión/es** El gen spa-P se diferencia de otros genes de *S. mutans* estudiados por su elevado nivel de diferenciación genética y su correlación con las UFC/mL de *S. mutans* en saliva.