

**193**

**RELACIÓN ENTRE HAPLOTIPOS DEL GEN GTF-B DE STREPTOCOCCUS MUTANS CON EXPERIENCIA DE CARIES**

\*Carletto Korber F<sup>1</sup>, González Ittig RE<sup>2</sup>, Vera NS<sup>2</sup>, Jimenez MG<sup>3</sup>, Martinez JE<sup>3</sup>, Cornejo LS<sup>1</sup>

<sup>1</sup>Facultad de Odontología, UNC. <sup>2</sup>Instituto de Diversidad y Ecología animal (IDEA), CONICET-UNC, Facultad de Ciencias Exactas, Físicas y Naturales, UNC. <sup>3</sup>Facultad de Ciencias Médicas, UNC

**Objetivo:** Determinar si la variabilidad del gen *gtf-B* de cepas de *Streptococcus mutans* se correlaciona con los índices ceod y CPOD en niños. **Métodos:** La población de estudio estuvo constituida por niños (n=44) de ambos sexos de 6-8 años de edad. Se realizó examen clínico odontológico siguiendo el procedimiento de rutina tacto-visual, registrándose los elementos dentarios sanos, cariados, con extracción indicada o perdido y obturados en dentición temporaria y permanente. A partir de estos datos se calcularon los índices ceod y CPOD según el criterio de la OMS. Muestras de saliva estimulada fueron sembradas en Agar Mitis Salivarius para el desarrollo de *S. mutans*. Las colonias bacterianas se recuperaron en caldo cerebro corazón e incubadas por 48hs. La extracción de ADN se realizó según el método de Bollet. Se amplificó por PCR y se secuenció el gen de virulencia *gtf-B*. Se identificaron los haplotipos del gen *gtf-B* con el programa DNAsp y sus relaciones genealógicas se establecieron con el método de Median-joining utilizando el programa PopArt. Para correlacionar las variantes genéticas y la experiencia de caries se aplicó análisis de Spearman utilizando el programa PAST. Este trabajo se enmarca en un proyecto de investigación aprobado por el Comité de Ética de la Facultad de Odontología (UNC) y no tiene conflicto de interés. **Resultados:** Se obtuvieron valores medios de ceod:  $4.02 \pm 3.4$ ; CPOD:  $0.75 \pm 1.43$  y ceod + CPOD:  $4.77 \pm 4.2$ . Se identificaron 22 haplotipos del gen *gtf-B*, siendo el 2 el más frecuente (compartido por cepas de 12 niños). La red de haplotipos reveló poca diferenciación genética y todos formaron parte de un complejo clonal. Las correlaciones entre los haplotipos del gen de virulencia *gtf-B* con los índices ceod ( $r= 0.242$ ;  $p= 0.11$ ), CPOD ( $r= -0.0094$ ;  $p= 0.95$ ) y ceod + CPOD ( $r= 0.198$ ;  $p= 0.197$ ) fueron estadísticamente no significativas. **Conclusión:** No se encontró evidencia de relación entre las variantes del gen *gtf-B* de las cepas de *S. mutans* aisladas de los niños en estudio y su experiencia de caries.