

**Lucía María Ghietto<sup>1</sup>, Laura Moreno<sup>2</sup>, María Pilar Adamo<sup>1</sup>**

<sup>1</sup>Instituto de Virología “Dr. J. M. Vanella”, <sup>2</sup>Cátedra de Clínica Pediátrica. FCM, Universidad Nacional de Córdoba.

## INTRODUCCIÓN

El Bocavirus Humano (HBoV) es un parvovirus asociado a infección respiratoria aguda (IRA), principalmente en niños, con una prevalencia de <2 a 33%. Se plantea la posibilidad de una correlación entre carga viral elevada y enfermedad, mientras que la detección del virus en individuos asintomáticos ocurriría sólo con baja carga viral. **OBJETIVOS:** estimar la frecuencia de individuos HBoV+ con carga viral elevada e identificar manifestaciones clínicas prevalentes.

## MATERIALES Y MÉTODOS

Se obtuvieron aspirados o hisopados nasofaríngeos de pacientes con IRA (n=664) e individuos sanos (n=176) menores de 14 años, durante 2011 y 2012. El genoma viral se detectó por PCR convencional. Se identificó genotipo mediante secuenciación del gen NP1 completo y se determinó carga viral relativa por PCR en tiempo real con SyberGreen, calculado para cada muestra un valor de *fold-change* (FC) según el modelo  $2^{-ddCt}$ . Los individuos fueron clasificados según carga viral baja (FC<10), media (FC 10-99,9) o alta (FC≥100).

## RESULTADOS

### PREVALENCIA

La prevalencia general de HBoV en pacientes con IRA fue **11,14%** (74/664), 7,7% (23/300) en 2011 y 14% (51/364) en 2012; 86% (64/74) de los positivos fueron pacientes menores de 2 años (**Fig.1**). Las características clínico-epidemiológicas se muestran en la **Tabla 1**. En el grupo de individuos **sanos 6,25%** (11/176) fueron HBoV+.

### CARGA VIRAL EN PACIENTES CON IRA VS SANOS

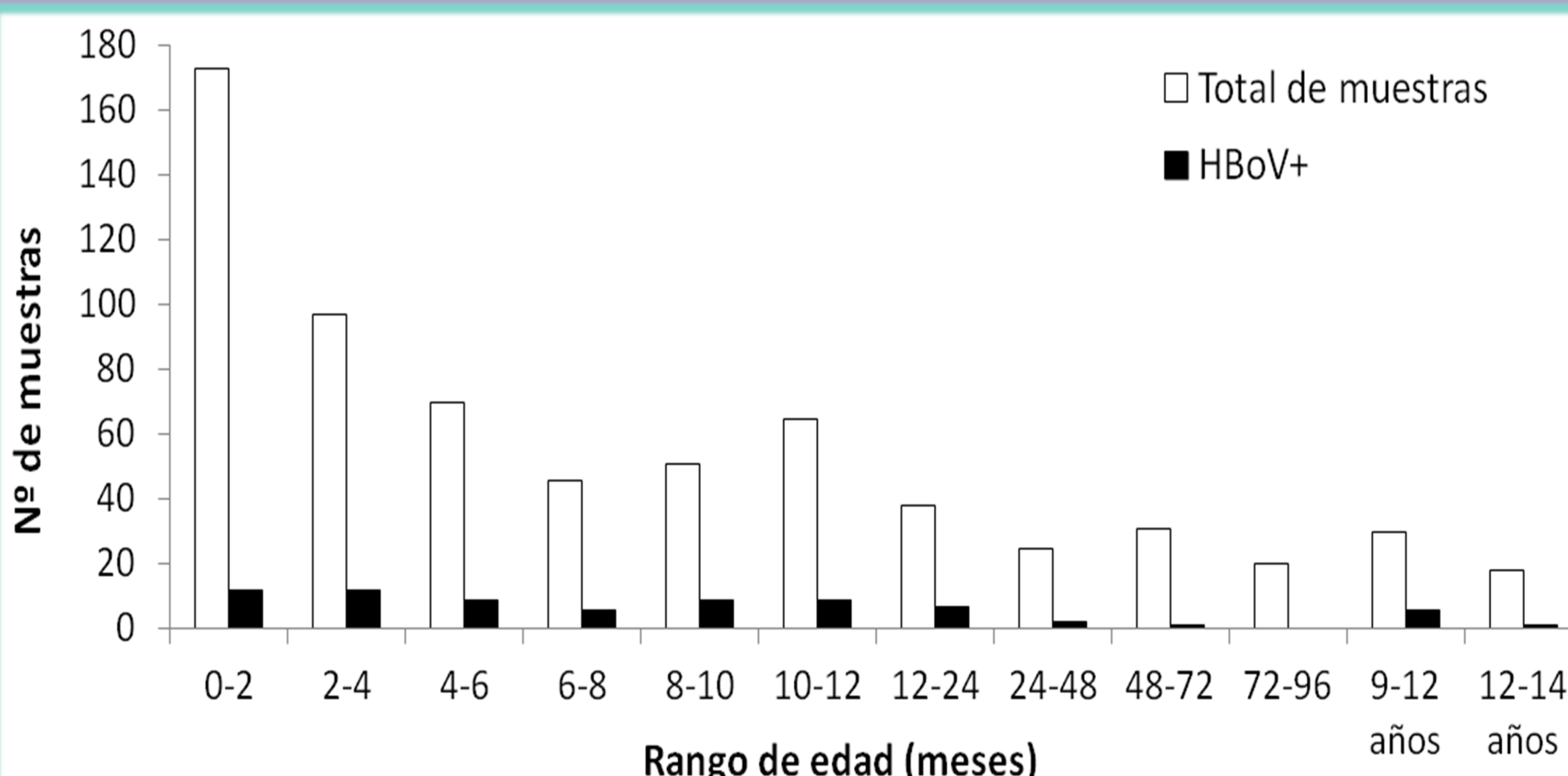
Se cuantificó el ADN de HBoV en 8 muestras de individuos sanos y 18 de pacientes con IRA. No se observaron cargas virales altas entre individuos sanos, en cambio 55,5% (10/18) de los pacientes evidenciaron elevadas cargas virales (p=0,01).

### ANÁLISIS FILOGENÉTICO

Se secuenciaron 15 aislamientos y todos agruparon en el *cluster* de **Bocavirus Humano 1**.

**Tabla 1. Características de individuos HBoV+ con carga viral media/baja y alta; \*estadísticamente significativo.**

CARACTERÍSTICAS	CARGA VIRAL		p
	ALTA	MEDIA/BAJA	
HBoV+	10	8	-
Edad (años)	1,94 ± 2,71	6,61 ± 5,66	0,03*
Masculinos/femeninos	7/3 (2,33)	4/4 (1)	0,39
<b>DIAGNÓSTICO</b>			
Asma	2	4	0,17
Bronquiolitis	5	3	0,59
Neumonía	3	1	0,37
Rinitis	0	0	-
Laringitis	0	0	-
<b>SIGNOS CLÍNICOS</b>			
Fiebre	6	3	0,34
Tos	10	8	1
Emesis	1	1	0,86
Apnea	0	0	-
Cianosis	0	1	0,25
Rinitis	8	6	0,79
Sibilancias	9	7	0,86
Diarrea	1	1	0,86
Mala evolución	1	0	0,35
Días de hospitalización	7,4 días	4,75 días	0,41
Oxígeno	5,8 días	3,25 días	0,18
VSG	29,3	22,1	0,29
Leucocitosis	4	0	0,04*
Infiltrados bilaterales	5	1	0,09



**Fig. 1. Casos HBoV+ por grupo etario, años 2011-2012**

## CONCLUSIONES

1. HBoV1 es un virus frecuente, especialmente entre niños con IRA menores de 2 años, con porcentaje fluctuante en 2011 y 2012.
2. La mayor tasa de infección en individuos con manifestaciones clínicas, junto con mayor frecuencia de carga viral alta, en comparación con individuos asintomáticos, indica una relación causal entre HBoV1 y la patología respiratoria.