

PATRONES DE DIVERSIDAD GENÉTICA EN SOLANÁCEAS NATIVAS DE LA REGIÓN CHAQUEÑA

Acosta M.C.
Scaldaferro, M.A.

Instituto Multidisciplinario de Biología Vegetal (IMBIV) CONICET-UNC.
E-mail: mcacosta@imbiv.unc.edu.ar

Los análisis filogeográficos permiten inferir como los procesos históricos han influenciado la disposición espacial de los linajes genéticos. En Argentina, la mayoría de los estudios filogeográficos han sido realizados en especies nativas de Patagonia, y son escasos los pertenecientes a taxones del Dominio Chaqueño. En este trabajo se analizan los patrones espaciales de diversidad genética en especies de los géneros *Nierembergia* y *Capsicum* (Solanaceas) que habitan estos ambientes. *Nierembergia* muestra dos linajes evolutivos: un grupo de especies de tierras bajas, herbáceas, con cariotipos asimétricos, cromosomas pequeños, y heterocromatina centromérica, y un grupo de especies de regiones montañosas, arbustivas, con cariotipos simétricos, cromosomas de mayor tamaño y sin heterocromatina centromérica. La datación molecular reveló que los clados se habrían separado durante el Mioceno tardío cuando una ingesión marina del Atlántico (Mar Paranaense) invadió el continente confinando a los ancestros de estas especies a refugiarse en tierras no inundables. Por otro lado, el análisis filogeográfico de *Capsicum chacoense* no presenta una estructuración geográfica marcada debido a que sus frutos son ingeridos por aves migratorias; sin embargo se destacan dos aéreas de gran variabilidad genética asociadas a las principales cadenas montañosas de la región. Durante las glaciaciones, el Dominio Chaqueño sufrió un proceso de aridización y la vegetación se habría refugiado en valles de montaña. Estos patrones de distribución de la diversidad genética se observan en otras especies vegetales.